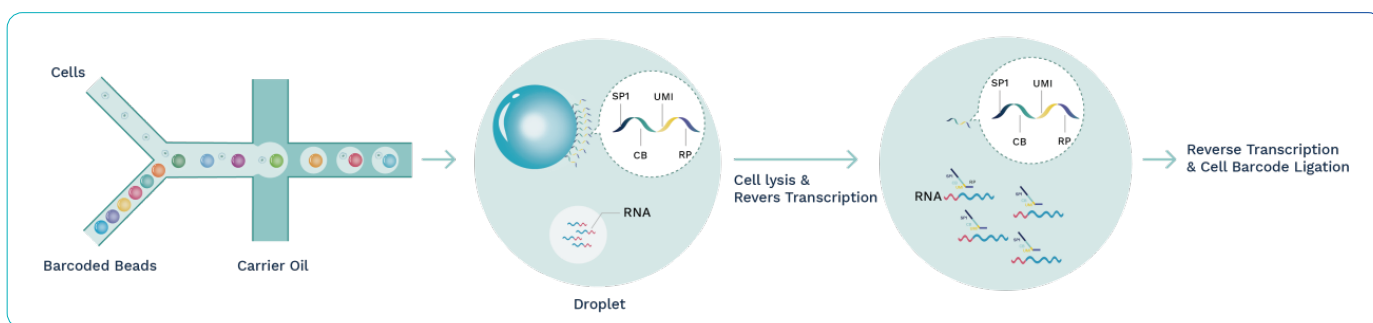


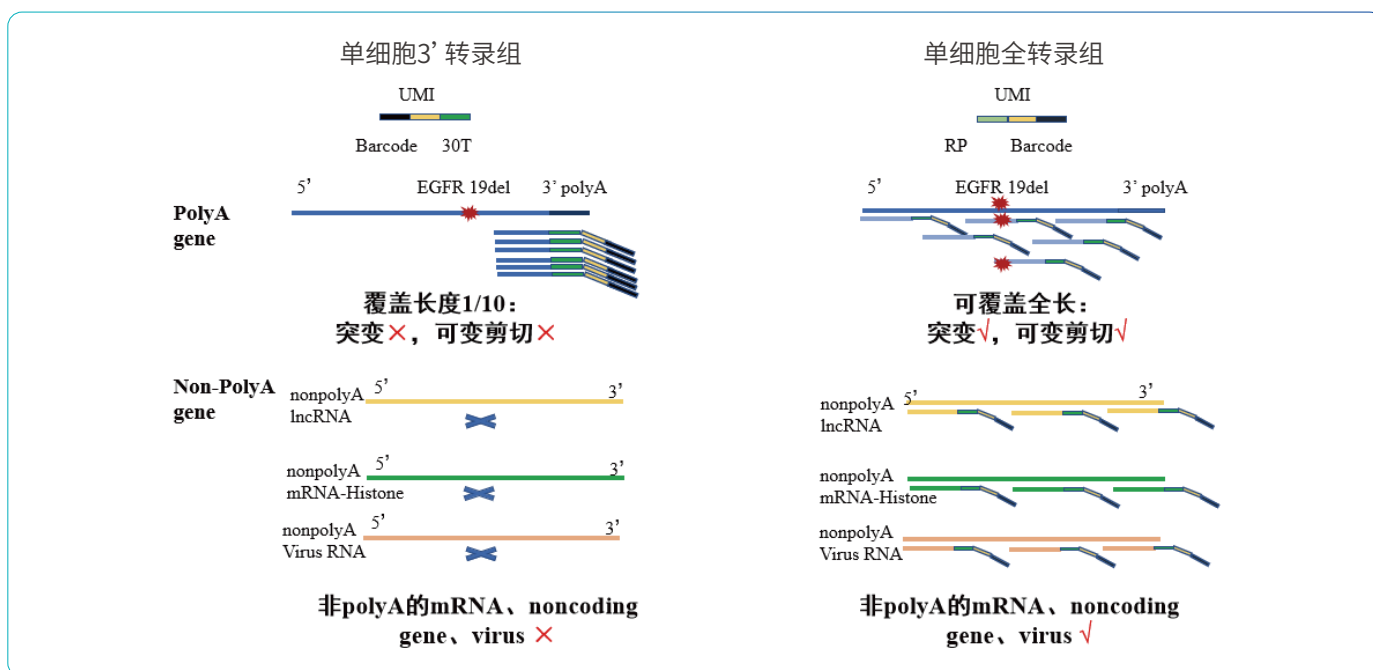
单细胞全转录组测序解决方案

单细胞全转录组测序 (Single Cell Whole Transcriptome Sequencing, scWT-seq) 通过结合高逆转录效率的随机引物和高效rRNA去除方法实现了对单细胞转录组的序列全长覆盖的随机捕获, 包括无poly(A)尾的lncRNA和circRNA。



单细胞全转录组测序优势

现有的单细胞3' 转录组技术依赖oligo-dT引物捕获带poly(A)尾的mRNA, 导致检测非poly(A)转录本(如lncRNA、组蛋白mRNA、circRNA)敏感性不足。同时, 高通量方法产生的短片段(300-700 bp)具有明显的3'端覆盖偏好性, 无法代表整个RNA分子, 这限制了对RNA链上随机突变和可变剪接事件的解析。单细胞全转录组测序技术(scWT-seq)能够很好的弥补以上不足。

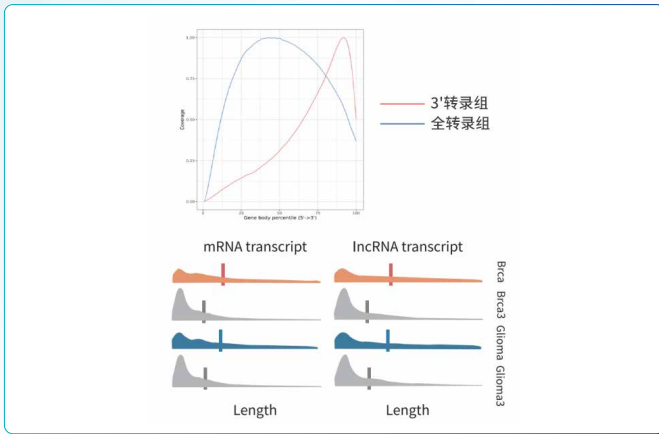


服务热线: 400-820-3699

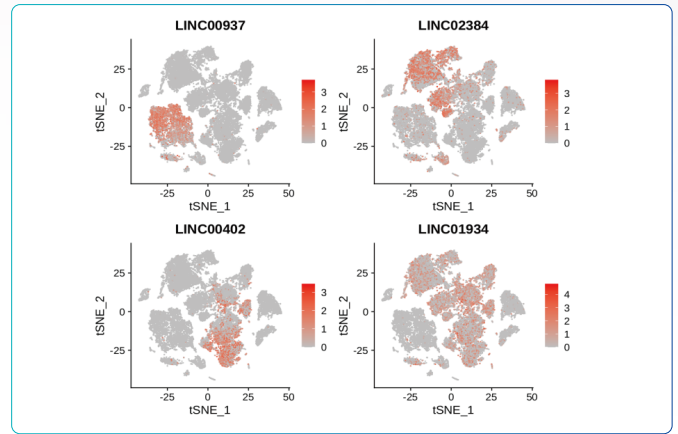


单细胞全转录组测序(scWT-seq) 优势

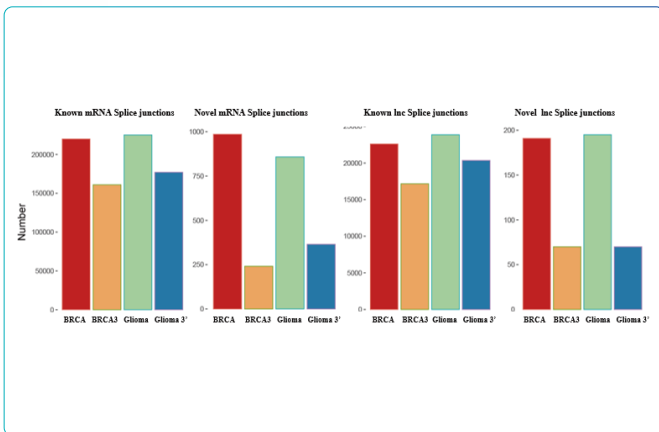
优势一: 实现转录组全长覆盖



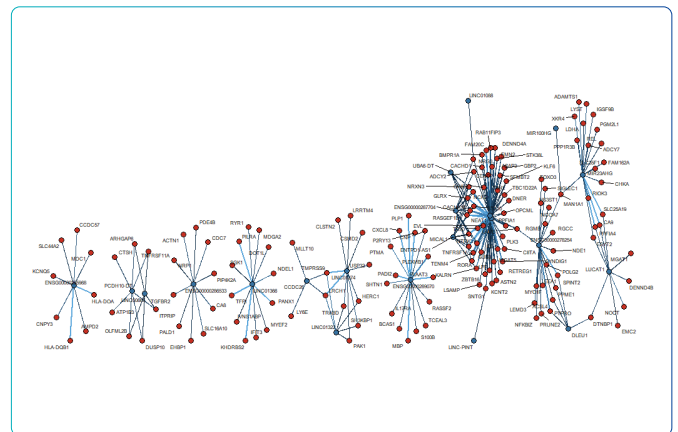
优势二: 提升lncRNA的检出数量和丰度



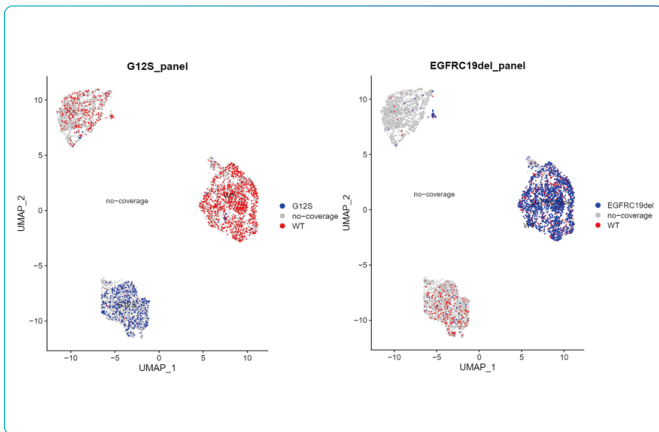
优势三: 检出更多mRNA和lncRNA可变剪接事件



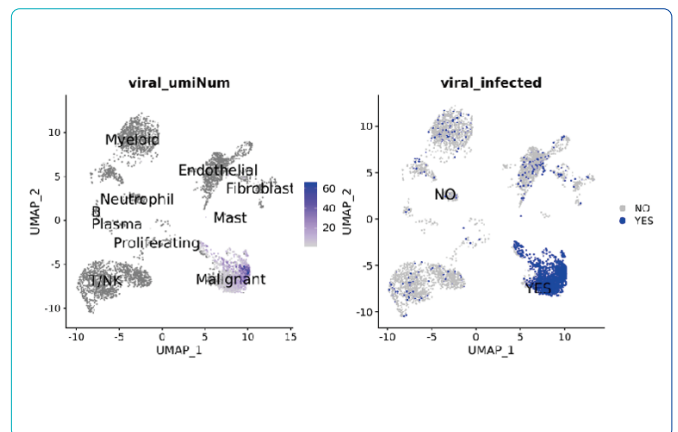
优势四: 构建细胞类型特异的lncRNA转录调控网络



优势五: 获得更多基因突变信息



优势六: 实现跨物种研究(可检出病毒和原核生物序列)



服务热线: 400-820-3699

地址: 上海市浦东新区张江高科技园区蔡伦路999号1号楼5楼

邮箱: market@shbio.com

网址: www.shbio.com

